

マルチオミクス解析 Webinar

腸内環境研究の最前線 NGS 細菌叢解析と質量分析計のデータ統合技術

2024.8.8 [THU] 14:00 ~ 15:15
Zoom ONLINE | 参加無料

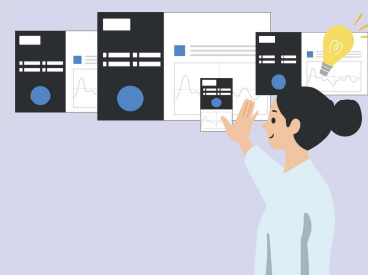
お申込みはコチラから (先着 500 名)
[https://www.an.shimadzu.co.jp/news-events/
2024/202408/multiomics.html](https://www.an.shimadzu.co.jp/news-events/2024/202408/multiomics.html)



マルチオミクス解析は、生体内の作用機序に関する複数のオミクスデータを統合し、網羅的・効率的に研究できる手法として注目されています。本Webinarのテーマは、ゲノミクスとメタボロミクスのデータ統合による腸内環境研究です。特別講演として、イルミナ株式会社より次世代シーケンサー (NGS) を用いた解析事例、さらに株式会社メタジェンより腸内細菌叢の研究と評価事例をご紹介します。弊社からはマルチオミクス解析パッケージを用いて、NGSとGC-MS/MSにより取得した腸内細菌叢・代謝物・香気データの統合解析を効率化した事例を紹介いたします。ぜひご参加ください。

こんな方におすすめです！

- ・これからマルチオミクス解析を始めたい方
- ・ゲノム研究で代謝物測定データを取得・活用したい方
- ・メタボロミクス研究でゲノムデータとの紐づけを目指している方
- ・RやPythonのコマンドを用いた統計知識はないが、マルチオミクス解析用ソフトに関心がある方



講演スケジュール

14:00 ~ 14:30 特別講演1 NextSeq™ 1000/2000で実現するマルチオミクス細菌叢解析 (イルミナ株式会社)

14:30 ~ 15:00 特別講演2 腸内環境研究におけるメタボローム解析の重要性 (株式会社メタジェン)

15:00 ~ 15:15 島津講演 NGSと質量分析計のデータ統合解析による腸内環境研究事例のご紹介 (弊社技術者)

お申込み

下記URLのWebページにアクセスし、必要事項を入力の上、お申し込みください。
お申込み後、受付メールが自動配信されます。

<https://www.an.shimadzu.co.jp/news-events/2024/202408/multiomics.html>



お問い合わせ：島津製作所セミナー事務局 an_seminar@group.shimadzu.co.jp

※ご提供いただいた個人情報は、展示会・学会・セミナーや新製品等のご紹介、各種情報提供に利用させていただきます。また、イルミナ株式会社、株式会社メタジェンと共有します。詳細は下記 URL の弊社 WEB のプライバシーポリシーをご参照ください
<https://www.shimadzu.co.jp/attention/privacy.html>

講演要旨

特別講演① | NextSeq™ 1000/2000で実現するマルチオミクス細菌叢解析

イルミナ株式会社 鈴木 健介 様

イルミナシーケンサーNextSeq™ 1000/2000は、高出力化と低コスト化を実現するとともに、ユーザー操作や利便性を向上させた装置です。本講演では、16S rRNA解析やメタトランスクリプトーム解析などの細菌叢解析アプリケーションを中心に、マルチオミクス解析の最新技術動向などについてご紹介します。

特別講演② | 腸内環境研究におけるメタボローム解析の重要性

株式会社メタジェン 舟橋 和毅 様

ヒトの腸内にはおよそ1,000種類、40兆個にも及ぶ腸内細菌が生息しています。腸内細菌が産生する様々な代謝物質はヒトの健康維持や疾患の発症・増悪に関与することが知られています。このことから、我々は腸内細菌叢の遺伝子情報と代謝動態をあわせて評価することが重要であると考えており、そのような研究事例をご紹介します。

島津講演 | NGSと質量分析計のデータ統合解析による腸内環境研究事例のご紹介

株式会社島津製作所 中川 裕貴

次世代シーケンサーとGCMS-TQ8040 NXを用いてヒト便試料を分析し、腸内細菌叢（約250種の微生物）、代謝物（約500成分）と香気成分（約500成分）を測定しました。マルチオミクス解析パッケージを用い統計処理と代謝経路解析を組み合わせた統合解析を行いました。性別や時系列に分けた解析事例をご紹介します。

本Webinarでご紹介する製品



マルチオミクス解析パッケージ

メタボロミクス、プロテオミクス、フラックス解析などで得られた膨大な質量分析データを自動で代謝マップに表示しさまざまな解析を行える代謝工学向けのソフトウェアです。当社が提供する代謝物分析用の各種メソッドパッケージ・データベースと連携し、メタボロミクスデータ解析作業を効率化します。